

20 Juin 2019
IMM - MARSEILLE



Protéomique et Métabolomique

8h00	Accueil, café		
9h00	Brigitte MEUNIER – GONTERO, IMM, Marseille : Ouverture de la journée Protéopaca 2019.	14h00	Raphaël LUGAN, UMR QualiSud, Avignon : «Différentes approches métabolomiques appliquées à la génomique fonctionnelle chez les végétaux»
9h10	Luc CAMOIN, MAP, Marseille : Présentation générale et R/D de Marseille Protéomique	14h40	Avais DAULAT, CRCM, Marseille : «Mapping the polarity protein landscape in cancer »
9h20	Jacques COLINGE, IRCM, Montpellier : Cartographie in vivo et à grande échelle de la dynamique des protéines dans le liquide céphalorachidien .»	15h20	Yannick COGNE, CEA-Marcoule, Bagnols-sur-Cèze : «Bioinformatique et protéomique, une alliance à haute valeur ajoutée pour mieux explorer la variabilité biologique intra-population et inter-espèces»
10h00	Pierre-Olivier SCHMIT, Bruker : «PASEF & beyond : developing the potential of the TIMS-Q-TOF architecture for Proteomics »	16h	Pause et visite des stands fournisseurs.
10h25	Pause et visite des stands fournisseurs.	16h30	Cécile DUBOIS, IRSN, Cadarache : «Apport de l'analyse protéomique pour la détermination des mécanismes de reprotoxicité radio-induite chez Caenorhabditis elegans»
10h55	Claire DAULY, Thermo Fisher Scientific : «The New Pace of Innovation : Advancing proteomics with profiling and targeted quantitative workflows»	17h10	Luc CAMOIN, MAP, Marseille : «Développement d'une approche de protéomique ciblée appliquée au cancer du sein HER2 positif»
11h20	Alyssa IMBERT, CEA, Gif-sur-Yvette : «Proteomics and metabolomics data integration for the study of knock-out mice: from univariate to multi-block analysis»	17h50	
12h	Aurélien SEASSAU, INRA, Sophia-Antipolis : «Characterization of proteins involved in plant defense responses by an LC-MS/MS approach for phytohormone quantification »	18h10	Le mot de la fin
12h40	Pause déjeuner et visite des stands.		

Inscription gratuite mais obligatoire.
<https://jproteopaca2019.sciencesconf.org/>

